


# Hieff Clone<sup>®</sup> Universal II One Step Cloning Kit

10923ES

---

产品使用说明书

Ver. CN20231024

A large, decorative orange wave graphic that spans the bottom of the page, starting from the left edge and curving across to the right edge.

# 目录

产品简介 .....	1
产品信息 .....	1
组分信息 .....	1
储存条件 .....	1
使用说明 .....	2
注意事项 .....	5

## 产品简介

Hieff Clone<sup>®</sup> Universal II One Step Cloning Kit 是新一代的同源重组克隆试剂盒，精心优化的第二代 2× Hieff Clone<sup>®</sup> Universal II Enzyme Premix 预混了重组酶和重组反应所需缓冲液，并添加了独特的重组增强因子，可显著提高重组克隆效率。

该试剂盒可以将 PCR 产物定向克隆至任何载体的任何位点，兼容未纯化 PCR 产物、直接回收的 PCR 产物、低浓度的胶回收产物，本产品可重组同源臂 GC 含量 30%-70%的接头片段。将载体完全线性化，并在插入片段正、反向 PCR 引物 5' 端引入 15-25 bp 的线性化载体末端同源序列，使得插入片段 PCR 产物 5' 和 3' 末端分别带有与线性化载体两末端对应的完全一致的序列。PCR 产物和线性化载体在重组酶的作用下，在 50°C 条件下最快仅需 5 min 即可完成重组反应。克隆阳性率可达 95% 以上。

## 产品信息

货号	10923ES05 / 10923ES20 / 10923ES50
规格	5 T / 20 T / 50 T

## 组分信息

组分编号	组分名称	10923ES05	10923ES20	10923ES50
10923-A	2 × Hieff Clone <sup>®</sup> Universal II Enzyme Premix	50 μL	200 μL	500 μL
10923-B	500 bp control insert (25 ng/μL)	5 μL	5 μL	5 μL
10923-C	pUC 19 control vector, linearized (50 ng/μL)	5 μL	5 μL	5 μL

## 储存条件

-25~-15°C 保存，有效期 1 年。

## 使用说明

### 1. 目标载体及插入片段制备

#### 1) 线性化载体的制备

选择合适的克隆位点，并对载体进行线性化。本产品不受同源臂区域 GC 含量影响。线性化载体可通过限制性内切酶酶切或反向 PCR 扩增获得。

##### a. 酶切制备线性化载体\*

双酶切线性化：线性化完全，转化背景低。建议使用。

单酶切线性化：线性化程度较差。可适当延长酶切时间以降低转化背景。

\*不含插入片段的假阳性克隆可能是由线性化不完全的环状载体转化而形成的，若这种假阳性克隆比例较高，建议重新制备线性化载体并切胶回收。

##### b. 反向 PCR 扩增制备线性化载体

建议使用高保真聚合酶（如：2× Hieff Canace<sup>®</sup> AdvanceFast PCR Master Mix (With Dye) Cat#10164ES）进行载体扩增，以减少扩增突变的引入。PCR 扩增模板应尽量使用预线性化质粒，以防止残留环状质粒模板对克隆阳性率的影响。

Hieff Clone<sup>®</sup> 重组反应体系兼容几乎所有酶切反应体系和常规 PCR 反应体系，当载体酶切产物或反向 PCR 扩增产物纯度较高时，可以无需纯化，直接进行重组反应。但纯度较低且有可能含有未线性化环状质粒时，建议使用高质量的试剂盒对线性化载体进行胶回收纯化，以提高产物纯度并去除一部分未线性化的环状载体，有利于提高重组效率。

#### 2) 单个插入片段的引物设计

Hieff Clone<sup>®</sup> 引物设计方式：通过在插入片段正、反向 PCR 引物的 5' 端引入 15-25 bp（不包括酶切位点）的线性化载体末端同源序列，使得插入片段 PCR 产物 5' 和 3' 末端分别带有与线性化载体两末端对应的完全一致的序列。

插入片段正向扩增引物设计方式：

5' -上游载体末端同源序列 + 酶切位点（可保留或删除）+ 基因特异性正向扩增引物序列-3'

插入片段反向扩增引物设计方式：

3' -基因特异性反向扩增引物序列 + 酶切位点（可保留或删除）+ 下游载体末端同源序列-5'

推荐使用翌圣无缝克隆引物设计软件（<https://www.yeasen.com/hieff-clone/>），自动生成插入片段的扩增引物。最终引物长度超过 40 bp，建议选用 PAGE 纯化方式进行引物合成。计算扩增引物退火温度时，只需计算基因特异性扩增序列的 Tm 值，载体末端同源序列不应参与计算，为了得到高效率克隆，建议 Tm ≥ 48°C。

#### 3) 多个插入片段的引物设计

Hieff Clone<sup>®</sup> 引物设计方式：通过在插入片段正、反向 PCR 引物的 5' 端引入 15-25 bp（不包括酶切位点）的线性化载体末端同源序列，使得插入片段 PCR 产物 5' 和 3' 末端分别带有与线性化载体两末端对应的完全一致的序列。

推荐使用翌圣无缝克隆引物设计软件（<https://www.yeasen.com/hieff-clone/>），自动生成插入片段的扩增引物。若手动设计，可参照以下实例。以在 pUC18 载体的 EcoRI 和 Hind III 酶切位点间插入三段基因的引物设计为例，引物具体设计方案如下：

##### a. 首先设计第一片段的正向扩增引物和第三片段的反向扩增引物（与载体相邻的两个插入片段）。

第一片段正向扩增引物设计方式：

5' -上游载体末端同源序列+酶切位点（可保留或删除）+ 第一片段基因特异性正向扩增序列-3'

第三片段反向扩增引物设计方式：

3' -第三片段基因特异性反向扩增序列 + 酶切位点（可保留或删除）+ 下游载体末端同源序列-5'

##### b. 其次设计第一片段的反向扩增引物和第二片段的正向扩增引物。用于片段之间进行重组的同源序列可以添加至前方片段的反向扩增引物中，也可以添加至后方片段的正向扩增引物中，还可以两片各添加一部分。以将同源序列添加至前方片段（第一片段）的反向扩增引物中为例：

第一片段反向扩增引物设计方式：

3' -第一片段基因特异性反向扩增序列 + 第二片段 5' 端同源序列-5'

第二片段正向扩增引物设计方式:

5' -第二片段基因特异性正向扩增序列-3'

c. 最后设计第二片段的反向扩增引物和第三片段的正向扩增引物。设计方式与第一片段的反向扩增引物和第二片段的正向扩增引物设计方式一致。

#### 4) 插入片段 PCR 扩增

插入片段扩增可用任意 PCR 酶扩增, 无需考虑产物末端有无 A 尾 (重组过程中将被去除, 在最终载体中不会出现)。但为了减少扩增突变的引入, 建议使用高保真聚合酶进行扩增 (如: 2× Hieff Canace® AdvanceFast PCR Master Mix (With Dye) Cat#10164ES)。

PCR 扩增结束后, 取少量产物进行琼脂糖凝胶电泳以检验扩增产量和特异性。Hieff Clone® 重组反应体系兼容常规 PCR 反应体系。因此, 如果扩增模板不是与载体抗性相同的环状质粒, 且 PCR 产物电泳条带单一, 则扩增产物可以无需纯化, 直接用于重组反应。但 PCR 扩增产物纯度较低时, 建议使用高质量的试剂盒对 PCR 扩增产物进行胶回收纯化, 以提高产物纯度, 有利于提高重组效率。

## 2. 浓度测定

推荐使用琼脂糖凝胶电泳比较条带亮度的方法对 DNA 进行定量。将线性化载体和插入片段扩增产物做数个等体积稀释梯度, 原始产物和稀释后产物各取 1 μL 进行琼脂糖凝胶电泳, 与 DNA 分子量标准 (DNA Marker) 比较条带亮度以确定其近似浓度 (尤其针对于线性化载体和插入片段扩增产物未纯化的情况)。也可通过核酸浓度测定仪 (Cat#80480ES) 对线性化载体和插入片段进行测定, 记录浓度值 (ng/μL) 和 OD260/OD280 值后进行投入量的计算。

## 3. 重组反应

### 1) 线性化载体和插入片段使用量

Hieff Clone® 重组反应体系各个片段及载体插入总浓度为 0.02 - 1 pmol。载体与各个插入片段摩尔比为 1:2\*。对应的 DNA 质量可由以下公式计算获得:

$$\text{pmol} = (\text{插入片段使用量 ng}) \times 1,000 / (\text{插入碱基数} \times 650 \text{ daltons})$$

50 ng 5,000 bp 的 DNA 片段约为 0.015 pmol

50 ng 500 bp 的 DNA 片段约为 0.15 pmol

\*当插入片段长度大于载体时, 最适载体与插入片段使用量的计算方式应互换, 即插入片段当做载体, 载体当做插入片段进行计算。线性化载体及插入片段的反应终浓度最低可达到 1 ng/μL。线性化载体和插入片段扩增产物未纯化直接使用时, 使用总体积应不超过反应体系体积的 1/5, 如 20 μL 体系不超过 4 μL。

简便的投入量计算公式: **插入片段投入量=2×插入片段长度×插入载体投入质量/载体长度**

### 2) 重组反应体系 (可等比扩大或缩减反应体系, 冰上配制, 各组分使用前需混匀)

组分	重组反应体系
2× Hieff Clone® Universal II Enzyme Premix	10 μL
每个插入片段投入量	X
目的载体投入量	Y
ddH <sub>2</sub> O	To 20 μL

表 1 反应体系

### 3) 重组反应条件

- 体系配制完成后, 用移液器轻轻吸打混匀各组分, 短暂离心将反应液收集至管底。
- 当插入 1 个片段时, 反应条件为 50°C, 5 min; 当插入片段数为 2-6 个时, 建议反应条件为 50°C, 10 -50 min (反应时间随片段数增多而延长, 如表 2 所示)。超长载体片段连接, 建议反应时间为 40-60 min。

连接片段数	重组反应时间
2	10 min
3	20 min
4	30 min
5	40 min
6	50 min

表 2 反应时间

c. 反应产物可直接进行转化，也可储存于-20°C，待需要时解冻转化。

#### 4. 转化

- 1) 在冰上解冻克隆感受态细胞（如：DH5 $\alpha$  Chemically Competent Cell, Cat#11802ES）。
- 2) 取 10  $\mu$ L 冷却重组产物，加入到 100  $\mu$ L 感受态细胞中，轻弹管壁数下混匀，在冰上放置 25 min。
- 3) 42°C热激 60 sec，冰浴孵育 2 min。
- 4) 加入 500  $\mu$ L SOC 或 LB 培养基，37°C，200 rpm，摇菌 60 min。
- 5) 5,000 rpm 离心 4 min，弃上清至 100  $\mu$ L。用剩余培养基将菌体重悬，用无菌涂布棒在含有正确抗性的平板上轻轻涂匀。待菌液被吸收，将平板倒置，于 37°C过夜培养。

#### 5. 克隆鉴定

最方便快捷的方法是菌落 PCR。用无菌的枪头或牙签将单个菌落挑至菌落 PCR Mix 中混匀（如：2 $\times$ Hieff<sup>®</sup> Ultra-Rapid HotStart PCR Master Mix (with Dye), Cat#10157ES），加入引物直接进行 PCR 反应。推荐至少使用一条通用测序引物进行菌落 PCR，可以避免 PCR 假阳性的产生。后续也可用于酶切或测序鉴定。

## 注意事项

### 1. 需自备的材料：

- 1) 自备样品：自备好线性化载体和插入片段。
- 2) 自备试剂（仅罗列部分）：
  - a. 超级感受态：转化效率 $>10^8$  cfu/ $\mu$ g，如翌圣 DH5 $\alpha$ 超级感受态细胞（Cat#11802ES）。
  - b. 高保真酶：2 $\times$  Hieff Canace<sup>®</sup> AdvanceFast PCR Master Mix (With Dye) (Cat#10164ES) 或其他等效产品。
  - c. 菌落 PCR mix：2 $\times$  Hieff<sup>®</sup> Ultra-Rapid HotStart PCR Master Mix (with Dye) (Cat#10157ES) 或其他等效产品。
  - d. 核酸染料：YeaRed Nucleic Acid Gel Stain (10,000 $\times$  in Water) (Cat#10202ES) 或其他等效产品。
- 3) 自备仪器耗材（仅罗列部分）：PCR 仪，水平电泳槽，切胶仪，EP 管等。

2. 为了您的安全和健康，请穿实验服并佩戴一次性手套操作。

3. 本产品仅作科研用途！



帮助客户创造价值，让世界更健康更快乐